- 3 包技术要求(染色体全自动扫描及分析系统):
- 1、全自动扫描设备硬件:
- (1) 成像系统: 明场成像。
- (2) 光学系统:采用无限远校正光学系统,齐焦距离必须为国际标准 45mm。
- (3) 调焦系统: 电动或磁悬浮 Z 轴调焦, 精度≤0.01 μm。
- (4) 电动物镜转盘: ≥3 孔。
- (5) ▲物镜: 低倍镜 10X (N. A. ≥0. 25), 高倍物镜 (油镜) 100X (N. A. ≥ 1. 40) 或 63X (N. A. ≥ 1. 40)。
- (6) 聚光镜: 摇摆式或阿贝或色差聚光镜, N. A. ≥0.78。
- (7) 高分辨率高速高灵敏度科研级相机,≥700万像素。
- (8) ▲相机靶面≥1.1 英寸, 位深不低于 12bits (体现更多带纹细节); 具备异步复位、无延迟、脉冲宽度控制快门及坏点补偿功能。
- (9) X 和 Y 轴精确定位精度≤30nm,并配备闭环伺服电机系统,具备高度可重复定位功能。
- (10)▲系统可自动校正显微系统和电机的标定参数;配备自动装载系统,支持各类型玻片样品(外周血、羊水、绒毛、骨髓等),扫片过程无需人工干预,一次可以自动扫描≥160 张玻片。
- (11) 可自动控制加油位置、油量、加油时机、频率。
- (12)透射光照明:采用 LED 光源,搭配内置柯勒照明系统;光源具备高强度、高显色特性,使用寿命≥50000 小时。
- (13)▲单张玻片扫描时间≤6分钟,要求每张玻片至少拍摄50个中期分裂相。
- (14) 玻片加急扫描:玻片仓门可随时开启,支持边扫描边进行玻片装载,支持玻片加急扫描。
- (15) 服务器固态硬盘存储空间≥16TB; 显卡性能≥NVIDIA RTX3060 独立 GPU显卡; CPU性能≥Intel Core i7 11代; 内存≥32GB; 内存 32GB以上; 显示器≥24 英寸。
- (16) 不少于 6 套分析终端,终端配置: CPU≥四核,内存≥16GB,固态硬盘≥1TB,正版 Windows 操作系统,显示器≥24 英寸。
- (17) 配备智能 UPS 不间断电源,额定容量≥5kVA,并终身免费更换。

(18)▲配备玻片条码打印识别系统(包括但不限于玻片打印机硬件及软件),需负责与我院信息系统互联,最终实现玻片上机后自动读取条码信息并获取检测对象临床信息,替代人工在玻片上手工标记姓名、样本编号等繁琐操作。

## 2、全自动扫描控制软件:

- (1) 全自动分裂相识别、捕捉、筛选软件控制模块。
- (2) 自动采集染色体中期分裂相图像。
- (3) 自动聚焦算法,确保核型扫描过程中的图像清晰度和扫描速度,并具备原位克隆标本扫描功能。
- (4) 软件可根据用户需求提取指定数量的最清晰的图像供核型分析使用。
- (5) 仪器集成自动加镜油控制系统,储油量≥100 毫升,实现油镜下高精度全自动滴油。

## 3、染色体自动分析系统软件:

- (1) 支持全中文界面。具备在全屏幕同一窗口下平铺显示及处理多幅图像的功能。
- (2) 可以与医院的 LIS 或者 HIS 系统进行连接;数据共享模式可形成局域网工作系统。
- (3) 可同时开展染色体核型分析、FISH分析、染色体畸变分析和微核分析,实现一机多用功能,软件包含核型分析、FISH分析、染色体畸变分析、微核分析功能模块。
- (4) 智能带纹增强,确保分离出的染色体带纹清晰可辨。
- (5) 内置自动清除染色体图像背景中杂质和污点的功能,提升染色体识别与分析的准确率。
- (6) ▲染色体图像分割正确率≥99%
- (7) ▲识别着丝粒准确率≥95%
- (8) ▲染色体识别率≥99%
- (9) ▲染色体中期图自动去噪, 随体丢失率<1%
- (10) ▲具备自动染色体计数汇总功能,具备自动提示染色体核型嵌合体功能

## (需提供软件界面提示嵌合体的截图示例)。

- (11) 支持自动识别染色体的着丝粒,并根据着丝粒进行染色体排列对齐。
- (12) 核型图病例数据储存在数据库中,建立医院的病历库,形成病历归档,可进行病例搜索、查看和管理等操作(需提供搜索病历截图)。
- (13) 具备 G 带、R 带智能识别分析功能。支持 300、400、550、700 和 850 条 带水平的染色体核型分析,并可根据需要创建新的染色体分析模型。
- (14) 具有同号染色体对比分析功能。
- (15) 原始图像一键操作,自动分割、自动识别、自动配对。
- (16)染色体图像自动优化,内置自动清除染色体图像背景中杂质和污点的功能, 具备染色体轮廓修饰功能,可在染色体原始图和排列图上直接修饰各染色单体。 可实现染色体整体放大和阈度值处理功能。
- (17) 具备边扫描边分析功能,扫描结束分析完成。自动识别分割准确率高,能 处理简单交叉及涉及多条染色体的两两斜十字交叉或 T 形交叉。
- (18)▲能对染色体图像进行批量自动分析,对原始中期分裂相进行一键分析操作后,染色体自动分析与配对的准确率≥98%。
- (19)能对染色体进行任意角度旋转、拉直、放大、标注等操作,具备单个或全部染色体模式图比对功能。
- (20) 具有手工和自动染色体排序、配对功能。在人工干预操作后,能对修正后的染色体快速识别并重新自动排序配对。
- (21) 系统内置常见异常核型知识库,支持查询染色体异常相关疾病。同时知识库支持自定义编辑功能,可形成科室专用异常数据库(需提供异常核型知识库界面截图)。
- (22) 每步操作都有记忆, 可以单步或全部撤销或恢复所有操作。
- (23)支持自动识别着丝粒位置,也允许人工干预识别及手动调节中线和着丝粒的位置。
- (24) 可实现远程会诊功能(需提供远程会诊功能示例)。
- (25)▲在出具报告时,可针对产前诊断样本如羊水、绒毛等在核型配对图和原始图上实现自动隐藏性染色体,同时,对涉及到性染色体异常的产前诊断样本,可自动或人工干预下不隐藏性染色体(需提供软件截图以证明)。

(26)★染色体扫描软件、AI 分析软件、玻片条码打印识别系统需与我院信息系统对接;同时,中标方需负责对原有徕卡 GSL-120 设备进行升级改造,以实现其与玻片打印系统、AI 分析系统的对接,最终确保新旧设备均支持自动读取玻片条码信息及 AI 智能分析功能(中标方需承担相关费用,并提供承诺函)